

<https://doi.org/10.5327/2237-4574-EP43>

EP43

Distribuição genotípica do papilomavírus humano de alto risco oncogênico em mulheres com câncer do colo do útero, em Goiânia, Goiás

Vera Aparecida Saddi, Julia Oliveira Costa, Ana Paula da Silva Carvalho, Sebastião Alves Pinto, Andrea Alves Ribeiro, Megmar Aparecida dos Santos Carneiro, Silvia Helena Rabelo dos Santos

Introdução: A prevalência e a distribuição genotípica do Papilomavírus Humano (HPV) no câncer do colo do útero (CCU) variam de acordo com o método de detecção e a população estudada. Em Goiânia, Goiás, os estudos sobre a distribuição genotípica do HPV no CCU são escassos. A fim de fornecer informações epidemiológicas de base para o rastreamento do CCU e avaliar a eficácia da vacinação contra o HPV, este estudo investigou a distribuição de HPV de alto risco oncogênico (HR-HPV) em 210 casos de CCU. **Métodos:** Casos seriados de CCU, incluindo carcinomas *in situ* e carcinomas invasivos, foram diagnosticados no Serviço de Anatomia Patológica do Instituto Goiano de Oncologia e Hematologia (INGOH), em Goiânia, no período de 2023 a 2025. Os espécimes fixados em formol e incluídos em parafina foram submetidos à detecção e genotipagem de HR-HPV pelo ensaio *BD Onclarity*TM, que identifica 14 genótipos de HR-HPV, sendo seis genótipos detectados individualmente (16, 18, 45, 31, 51 e 52) e oito agrupados em: P1 (33 e 58), P2 (56, 59 e 66) e P3 (35, 39 e 68). O diagnóstico histopatológico foi confirmado em todos os casos, incluindo 184 carcinomas de células escamosas (CCE), 25 adenocarcinomas (ADN) e dois carcinomas adenoescamosos (ADC). **Resultados:** Das 210 amostras de CCU testadas, 209 foram positivas para HR-HPV (99,5%) e 297 genótipos de HR-HPV foram identificados. Infecções simples com um genótipo de HPV foram detectadas em 168 casos (80,0%), enquanto coinfeções com múltiplos genótipos foram observadas em 42 casos (20%). O HR-HPV mais frequente foi o HPV16 (58,0%), seguido pela dupla HPV33/58 (9,7%), HPV18 (8,7%), HPV35/39/68 (6,7%) e HPV31 (5,0%). O HPV16 foi o genótipo mais prevalente tanto nos CCE (58,0%), como nos ADN (54,1%), além de ser o mais comum nas coinfeções com múltiplos genótipos. **Conclusão:** Neste estudo, utilizando o ensaio *BD Onclarity*TM, HR-HPV foram detectados em 99,5% dos casos de CCU, demonstrando a eficácia do teste em tumores fixados em formol e incluídos em parafina. O HPV16 foi o genótipo mais frequente, tanto nos CCE quanto nos ADN. Coinfeções com múltiplos genótipos foram observadas em 20% dos casos, com o HPV16 frequentemente associado a outros genótipos. O significado clínico dessas coinfeções ainda é controverso, e estudos adicionais sobre esse tipo de infecção devem ser implementados. Conhecer a distribuição genotípica de HR-HPV no CCU é fundamental para o desenvolvimento de estratégias de prevenção, pois permite o monitoramento da vacinação contra o HPV, bem como a implementação das novas metodologias de rastreamento recomendadas pela Organização Mundial da Saúde.

Palavras-chave: câncer do colo do útero; testes de DNA para HPV; neoplasias do colo do útero; teste de DNA para Papilomavírus Humano.